

Pearson's Meta-Analysis

<http://arxiv.org/abs/0911.3531>

1. - Regresion lineal

<http://www.stat.cmu.edu/~hseltman/309/Book/chapter9.pdf>

Dado un par de vectores \vec{X} y \vec{Y} quiero establecer un modelo lineal, $y = a + bx$ que relacione a ambos. Tengo n datos para cada par (x,y) por lo que los grados de libertad del modelo serán $df = n - 2$. Los coeficientes de la correlación se calculan según, $b = \frac{\sum_{i=1}^n (x_i - \bar{x})(y_i - \bar{y})}{\sum_{i=1}^n (x_i - \bar{x})^2}$ y $a = \bar{y} - b\bar{x}$

El mejor estimado de la varianza de los datos respecto al modelo, σ^2 , es, $s^2 = \frac{\sum_{i=1}^n (y_i - a - bx_i)^2}{n-2}$ y los errores estandard de cada coeficiente del modelo son, $SE(a) = s \sqrt{\frac{\sum_{i=1}^n x_i^2}{\sum_{i=1}^n x_i^2 - \left(\sum_{i=1}^n x_i\right)^2}}$ y $SE(b) = s \sqrt{\frac{1}{\sum_{i=1}^n x_i^2 - \left(\sum_{i=1}^n x_i\right)^2}}$

El coeficiente de correlación de Pearson, r , se calcula según, $r = \frac{n \sum_{i=1}^n x_i y_i - \sum_{i=1}^n x_i \sum_{i=1}^n y_i}{\sqrt{\left[n \sum_{i=1}^n x_i^2 - \left(\sum_{i=1}^n x_i\right)^2 \right] \left[n \sum_{i=1}^n y_i^2 - \left(\sum_{i=1}^n y_i\right)^2 \right]}}$ y es lo que da una idea de que tan bueno es el ajuste (o la regresión de los datos) a una línea recta.

Asumiendo que hayamos hecho la hipotesis nula ($a=0, b=0$), los t -estadísticos de cada coeficiente se calculan como, $t_a = \frac{a}{SE(a)}$, $t_b = \frac{b}{SE(b)}$ que corresponden a una distribución t-Student con $n - 2$ grados de libertad. De aquí pueden calcularse los p-values (p_a, p_b) correspondientes invirtiendo la distribución de Student, $p_j = P(\Theta \left| t_j, n-2 \right.)$

<http://search.cpan.org/~mikek/Statistics-Distributions-1.02/Distributions.pm>

Lo que no entiendo aqui es porque no se calculan los p-values directamente a partir del inverso de la CDF que ha quedado caracterizada al calcular la desviacion estandard del ajuste. Tal y como yo lo veo $p = 1 - \Phi(1.96 \sigma)$, siendo Φ la normal cumulative distribution function.

2.- Meta analisis de las regresiones

2.1.- Método que encuentre por ahí

<http://hmg.oxfordjournals.org/content/17/R2/R122.long>

2.2.- Pearson's Method (en desarrollo)

Si se han hecho varias regresiones es posible hacer un meta-analisis de las mismas. Supongamos que la hipotesis nula es, $H_0 : (b_0, b_1, \dots, b_k) = 0$ siendo k el numero de regresiones totales que se han hecho. Supongamos tambien que de cada regresión disponemos de los valores de b , n y p . (Notese que b indica la dirección del efecto por lo que el *odd ratio*, OR , sería de la misma utilidad aquí).

Para calcular el meta-análisis utilizando el *Stouffer's Z-score method* (podría usarse cualquier otro) se calcula ([Combining probability from independent tests: the weighted Z-method is superior to Fisher's approach](#), M. C. WHITLOCK, doi: 10.1111/j.1420-9101.2005.00917.x), $Z_{-} = \frac{1}{\sqrt{k}} \sum_{i=1}^k \phi^{-1}(1 - p_i)$ es el z-score indicando que $b < 0$ y $Z_{+} = \frac{1}{\sqrt{k}} \sum_{i=1}^k \phi^{-1}(p_i)$ indicando que $b_i > 0$.

Ahora escogemos el z-score resultante como $Z = \max(Z_{-}, Z_{+})$ y nuestro *p-value* final será, $p = \phi(-|Z|)$. Esto además nos proporciona la "dirección del efecto", o sea, el signo de la pendiente del ajuste (b).

From:
<https://cortafuegos.fundacioace.com/wiki/> - **Detritus Wiki**

Permanent link:
<https://cortafuegos.fundacioace.com/wiki/doku.php?id=genetica:metapearson>

Last update: **2020/08/04 10:58**

